

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** RAUX Elodie  
**Elevage :** RAUX Elodie  
**Demandeur :** RAUX Elodie Les Chabaudière  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** DEMAEGDT Alexandra (16699) 69700 GIVORS

**Date de prélèvement :** 06/04/2020  
**Date de réception :** 17/04/2020  
**Nombre de prélèvements :** 1  
**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)  
**Espèce :** CHAT  
**Race :** EXO - Exotic Shorthair  
**Date de naissance :** 19/04/2019  
**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF: 2019.22727

## Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 22/04/2020

Identification : PIPISTRELLO DI CASTEL PIO/250268742011542 - Code ADN : FC28451									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/150	101/107	130/136	195/197	122/122	159/159	212/212	166/168	187/187	124/126
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
155/163	188/196	126/130	196/198	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**

PHOTO



**Code ADN :** FC28451

**Nom :** PIPISTRELLO DI CASTEL PIO

**Identification :** 250268742011542

**Race :** EXO:Exotic Shorthair

**Sexe :** Femelle

**Date de naissance :** 19/04/2019



**Genindexe**  
La génétique à votre service

FCA026	150/150	FCA069	101/107	FCA075	130/136	FCA105	195/197
FCA149	122/122	FCA201	159/159	FCA220	212/212	FCA229	166/168
FCA293	187/187	FCA310	124/126	FCA441	155/163	FCA453	188/196
FCA649	126/130	FCA678	196/198	ZSRY	X/X		

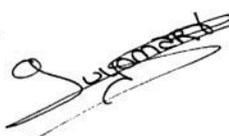
Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-  
date:17/04/2013 - I.R:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/04/2020

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR



## Certificat d'Analyse(s)

<b>Propriétaire :</b> RAUX Elodie	
<b>Elevage :</b>	<b>RAUX Elodie</b>
<b>Demandeur :</b> RAUX Elodie	Les Chabaudière
<b>Organisation :</b> PRO	
<b>Préleveur :</b> DEMAEGDT Alexandra (16699)	69700 GIVORS
<b>Date de prélèvement :</b> 06/04/2020	<b>Date de réception :</b> 17/04/2020
<b>Nombre de prélèvements :</b> 3	
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> EXO - Exotic Shorthair

### Filiation - contrôle de parenté

Date d'exécution : 23/04/2020

#### Mère(s) présumée(s)

	<i>Compatibilité(s)</i>
<b>FC22931</b> BRIGITTA DEL FALCO D ORO 380260002767691 - né(e) le 14/11/2016 Nature du prlvt : Buccal (brossette) IT ANFI LO 138811	...

#### Père(s) présumé(s)

	<i>Compatibilité(s)</i>
<b>FC14727</b> PYRAMPEPE BORGIA DI CASA GRANDE 380260002874153 - né(e) le 05/03/2017 Nature du prlvt : Sang ITENFI LO 457	...

#### Produit(s)

	<i>Compatibilité(s)</i>
<b>FC28451</b> PIPISTRELLO DI CASTEL PIO 250268742011542 - Femelle - né(e) le 19/04/2019 Nature du prlvt : Buccal (brossette) LOOF: 2019.22727	<b>Compatible avec le(s) parent(s) FC22931, FC14727</b>

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAACR 05):

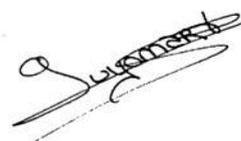
- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.

Certificat d'analyse de filiation-contrôle de parenté - ANAACR 01 EN 03 -  
date:17/04/2013 - I.R.:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/04/2020

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR



## Certificat d'Analyse(s)

<b>Propriétaire :</b> BREA Claire	<b>BREA Claire</b>
<b>Elevage :</b>	7 Avenue Jocelyn Bargoin
<b>Demandeur :</b> BREA Claire	63400 CHAMALIERE
<b>Organisation :</b> Amicale Européenne des Persans	
<b>Préleveur :</b> DELECHELLE Philippe (25)	
<b>Date de prélèvement :</b> 30/04/2019	<b>Date de réception :</b> 14/05/2019
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> EXO - Exotic Shorthair
<b>Date de naissance :</b> 14/11/2018	<b>Sexe :</b> Femelle
<b>Remarques :</b> IT ANFI LO 138811	

### Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 15/05/2019

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC22931 Nom : BRIGITTA DEL FALCO D ORO Puce : 380260002767691	IT ANFI LO 138811	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.10063C>A* présente sur le gène *PKD1* est recherchée.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotiques, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pédigrées que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

**NORMAL (+/+)** : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

**PORTEUR (+/-)** : animal hétérozygote porteur de la mutation

**ATTEINT (-/-)** : animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 27/05/2019

Olivier Yvernogeu  
Technicien PCR



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

<b>Propriétaire :</b> ABATE Stéphane	<b>ABATE Stéphane</b>
<b>Elevage :</b>	233 chemin de Bondillou
<b>Demandeur :</b> ABATE Stéphane	82000 MONTAUBAN
<b>Organisation :</b> Amicale Européenne des Persans	
<b>Préleveur :</b> BERGER Fanny (22284)	

---

<b>Date de prélèvement :</b> 26/06/2018	<b>Date de réception :</b> 29/06/2018
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Sang
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> EXO - Exotic Shorthair
<b>Date de naissance :</b> 05/03/2017	<b>Sexe :</b> Mâle

---

**Remarques :** ITENFI LO 457

### Polykystose rénale (PKD)

**Date d'exécution :** 04/07/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC14727 Nom : PYRAMPEPE BORGIA DI CASA GRANDE Puce : 380260002874153	ITENFI LO 457	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.*

*Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pédigrées que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 11/07/2018**

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR

