

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : RAUX Elodie

Elevage :

Demandeur : RAUX Elodie

Organisation : PRO

Préleveur : MOREL Kevin (28013)

RAUX Elodie

Les Chabaudière

69700 GIVORS

Date de prélèvement : 25/04/2017

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 22/07/2011

Date de réception : 10/05/2017

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : PER - Persan

Sexe : Femelle

Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 11/05/2017

Identification : SEFOLA DI CASA MIVALE/981100002492166 - Code ADN : FC14167									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/150	103/109	136/136	195/197	122/122	157/157	212/212	166/168	187/187	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
159/163	188/188	130/141	190/198	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card																																	
 PHOTO  Genindexe La génétique à votre service	Code ADN : FC14167 Nom : SEFOLA DI CASA MIVALE Identification : 981100002492166 Race : PER:Persan Sexe : Femelle Date de naissance : 22/07/2011																																
	<table border="1"> <tr> <td>FCA026</td><td>150/150</td><td>FCA069</td><td>103/109</td><td>FCA075</td><td>136/136</td><td>FCA105</td><td>195/197</td></tr> <tr> <td>FCA149</td><td>122/122</td><td>FCA201</td><td>157/157</td><td>FCA220</td><td>212/212</td><td>FCA229</td><td>166/168</td></tr> <tr> <td>FCA293</td><td>187/187</td><td>FCA310</td><td>136/136</td><td>FCA441</td><td>159/163</td><td>FCA453</td><td>188/188</td></tr> <tr> <td>FCA649</td><td>130/141</td><td>FCA678</td><td>190/198</td><td>ZSRY</td><td>X/X</td><td></td><td></td></tr> </table>	FCA026	150/150	FCA069	103/109	FCA075	136/136	FCA105	195/197	FCA149	122/122	FCA201	157/157	FCA220	212/212	FCA229	166/168	FCA293	187/187	FCA310	136/136	FCA441	159/163	FCA453	188/188	FCA649	130/141	FCA678	190/198	ZSRY	X/X		
	FCA026	150/150	FCA069	103/109	FCA075	136/136	FCA105	195/197																									
	FCA149	122/122	FCA201	157/157	FCA220	212/212	FCA229	166/168																									
	FCA293	187/187	FCA310	136/136	FCA441	159/163	FCA453	188/188																									
FCA649	130/141	FCA678	190/198	ZSRY	X/X																												

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - I.R:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 15/05/2017

Anne-Sophie Guyomard
Technicienne PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : RAUX Elodie	RAUX Elodie
Elevage :	Les Chabaudière
Demandeur : RAUX Elodie	
Organisation : PRO	
Préleveur : MOREL Kevin (28013)	69700 GIVORS
Date de prélèvement : 25/04/2017	Date de réception : 10/05/2017
Nombre de prélèvements : 2	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : PER - Persan
Date de naissance : 22/07/2011	Sexe : Femelle

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 11/05/2017

Identification	Autres informations	Résultat
3 Code ADN : FC14167 Nom : SEFOLA DI CASA MIVALE Puce : 981100002492166		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, ... et races apparentées.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/-) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 15/05/2017

Anne-Sophie Guyomard
Technicienne PCR

